

Patologia Clínica Veterinária, UFRGS).

Assim como tem sido demonstrado em outros parasitos, proteases ou seus inibidores, em *E. granulosus*, poderiam ter papel relevante na interação parasito-hospedeiro, estando envolvidas em processos tais como migração e estabelecimento da infecção, modulação da resposta imune ou degradação de proteínas do hospedeiro. Com a finalidade de isolar genes que codificam metalo-proteases e seus inibidores (TIMPs), em *E. granulosus*, as seqüências de aminoácidos de diversas destas proteínas foram alinhadas utilizando o programa PileUp (GCG). Com base nos sítios mais conservados, foram projetados oligonucleotídeos (oligos) para a amplificação de seqüências de DNA por PCR, usando uma combinação de variações da técnica ("touchdown" e "hot start" PCR). Para amplificação de seqüências de cisteíno-proteases, foram usados oligos idênticos aos descritos por Eakin *et alii* (Mol. Biol. Parasitol., 39:1-8, 1990). Nenhum fragmento correspondente à metalo-proteases foi amplificado, possivelmente devido à alta degeneração dos oligos usados. Com a utilização dos oligos específicos para cisteíno-proteases, foi amplificado um fragmento de 1,82 kb. Um fragmento de DNA, com 0,46 kb, foi amplificado usando os oligos específicos para TIMP-1. Este fragmento foi clivado com *EcoRI* e *BamHI* e ligado ao vetor pBluescript SK+. A linhagem de *E. coli* XL-1 Blue foi transformada e, no presente momento, estamos selecionando recombinantes para posterior seqüenciamento. (PADCT/CNPq, FAPERGS, EEC).