



<b>Evento</b>	Salão UFRGS 2015: SIC - XXVII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
<b>Ano</b>	2015
<b>Local</b>	Porto Alegre - RS
<b>Título</b>	Detecção de genes do Sistema de Secreção do Tipo 6 em amostras aviárias de Escherichia coli
<b>Autor</b>	JULIA IENES LIMA
<b>Orientador</b>	FABIANA HORN

**Detecção de genes do Sistema de Secreção do Tipo 6 em amostras aviárias de *Escherichia coli*. JULIA IENES LIMA, FABIANA HORN (orient.) (UFRGS)**

*Escherichia coli* é um bacilo gram-negativo, anaeróbio facultativo, presente na microbiota intestinal de aves e mamíferos. *Escherichia coli* patogênicas aviárias (APEC) causam infecções extraintestinais, denominadas colibacilose, em aves domésticas e selvagens. Estudos têm demonstrado a importância do Sistema de Secreção do Tipo 6 (T6SS) na patogênese de diversas espécies bacterianas, e a contribuição do T6SS para a virulência de APEC tem sido estabelecida. Em trabalho anterior, triamos a presença de quatro genes do T6SS, *icmF*, *dotU*, *clpV* e *vgrG*, em nossa coleção de 187 isolados APEC. Como esses genes podem estar presentes em pelo menos duas cópias diferentes no genoma, utilizamos dois pares de iniciadores para cada gene. Doze dos isolados APEC apresentaram duas cópias de *icmF*, 20 apresentaram duas cópias de *dotU*, 37 apresentaram duas cópias de *clpV* e 65 apresentaram duas cópias de *vgrG*. O objetivo deste trabalho é verificar a presença desses mesmos genes em *E. coli* não-patogênicas isoladas da cama de aviários de bandos saudáveis. Cento e sete isolados de *E. coli* foram obtidos da cama de aviários de várias granjas do Norte e Centro-Leste do Rio Grande do Sul no período de novembro de 2011 a abril de 2012. O DNA bacteriano foi extraído e submetido a PCR multiplex para verificação da presença dos genes. Até o momento, testamos 54 dos 107 isolados para uma das cópias dos genes *dotU*, *vgrG* e *clpV*: 12 (22%) isolados apresentaram *dotU*; 12 (22%) apresentaram *vgrG*; 17 (31%) apresentaram *clpV*; e 38 (70%) não apresentaram nenhum dos três genes. A presença de *icmF* está sendo realizada em uma PCR separada, devido a ampliações inespecíficas quando colocado com outros iniciadores na mesma reação. Em seguida, faremos a triagem da outra cópia dos quatro genes. A comparação desses resultados com os já obtidos para APEC indicará se esses genes, e potencialmente o T6SS, são ou não mais prevalentes em APEC do que em *E. coli* aviárias não-patogênicas.