



XXXV SALÃO de INICIAÇÃO CIENTÍFICA

6 a 10 de novembro

Evento	Salão UFRGS 2023: SIC - XXXV SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
Ano	2023
Local	Campus Centro - UFRGS
Título	Análise de diversidade genética comparativa entre populações de <i>Syagrus romanzoffiana</i> da planície costeira do Litoral Norte e do interior do RS
Autor	KETHLEN OHANA DA LUZ GOULART
Orientador	ENÉAS RICARDO KONZEN

Análise de diversidade genética comparativa entre populações de *Syagrus romanzoffiana* da planície costeira do Litoral Norte e do interior do RS

Autora: Kethlen Ohana da Luz Goulart

Orientador: Enéas Ricardo Konzen

Universidade Federal do Rio Grande do Sul, Centro de Estudos Costeiros Limnológicos e Marinheiros – CECLIMAR

Syagrus romanzoffiana (Cham.) Glassman é uma espécie de palmeira popularmente conhecida como jerivá ou coqueiro. A espécie ocorre desde os estados do Sul até Mato Grosso do Sul, Goiás e sul da Bahia, principalmente ao longo da Mata Atlântica, apresentando grande importância ecológica e paisagística. O objetivo deste estudo foi analisar a diversidade nucleotídica entre e dentro de populações de jerivá utilizando genes *WRKY*. Foram realizadas coletas de amostras foliares da palmeira jerivá nas cidades de Tramandaí, Osório e Caraá, localizadas no Rio Grande do Sul e na Praia do Gravatá, em Florianópolis, Santa Catarina. As amostras de tecidos foliares foram maceradas na presença de nitrogênio líquido e submetidas à extração de DNA e quantificação por espectrofotometria, avaliadas qualitativamente (razão 260/280 nm) e diluídas à mesma concentração. Também foram realizados desenhos de primers para amplificação de regiões de três genes *WRKY*, isolados de *Cocos nucifera*, conforme literatura prévia. Posteriormente, análises de PCR foram realizadas em laboratório. Conforme resultados parciais, foram observadas a presença de bandas uniformes a partir de eletroforese em gel de agarose, indicando a presença de apenas um fragmento, o que dá indícios de que um fragmento específico está sendo amplificado. Outros marcadores estão sendo analisados, sendo que o seu sequenciamento permitirá as comparações entre as populações amostradas. Estas análises podem fornecer indícios sobre a preservação das populações remanescentes de jerivá.

Apoio financeiro e agradecimento: PROPESQ/UFRGS, BIC-PRAE/UFRGS