

185

**ESTUDO DAS VARIANTES POLIMÓRFICAS DA REGIÃO PROMOTORA DO GENE DA PROTEÍNA DE LIGAÇÃO À MANOSE EM PACIENTES COM LÚPUS ERITEMATOSO SISTÊMICO.***Nadine Glesse, Odirlei André Monticielo, Ricardo Machado Xavier, João Carlos Tavares Brenol, Vanessa Suñé Mattevi, Jose Artur Bogo Chies (orient.) (FFFCMPA).*

O Lúpus Eritematoso Sistêmico (LES) é uma doença inflamatória crônica auto-imune que afeta múltiplos órgãos e exibe um largo espectro de manifestações clínicas. Sua etiologia permanece ainda desconhecida, porém parece estar relacionada a fatores genéticos e ambientais. Há evidências da participação de múltiplos genes no desenvolvimento do LES, incluindo aqueles que codificam componentes do sistema complemento. A Proteína de Ligação à Manose (MBL) é um importante constituinte do sistema imune inato. Estudos recentes apontam para um possível papel da MBL na predisposição ao LES. Polimorfismos no gene MBL2 conduzem a diferenças nos níveis séricos da proteína, podendo determinar um aumento na suscetibilidade a infecções por microorganismos patogênicos. O objetivo deste estudo é investigar os polimorfismos -550 H/L e -221 X/Y no promotor do gene da MBL e a ocorrência de LES, relacionando estes dados com o quadro clínico dos pacientes. Foram avaliados 233 indivíduos com LES e 226 controles. A identificação das variantes é feita por PCR com o uso de primers específicos e visualização em gel de agarose 2%. As frequências alélicas e genotípicas dos polimorfismos foram comparadas através de teste exato de Fisher com correção de Bonferroni. As frequências alélicas observadas foram de 0, 614 (L), 0, 386 (H), 0, 180 (X), 0, 820 (Y) e 0, 644 (L), 0, 356 (H), 0, 201 (X), 0, 799 (Y) respectivamente para pacientes LES e controles. Não houve diferença estatística entre estas frequências. As frequências genotípicas para as variantes H/L revelaram uma diferença estatisticamente significativa entre os dois grupos ( $p=0,001$ ), observada também nas frequências dos haplótipos combinados (HX, HY, LX, LY) entre pacientes e controles ( $p=0,006$ ). Nossos dados sugerem um potencial envolvimento de MBL no LES.