

059

**ANÁLISE MOLECULAR DE HIBRIDAÇÃO INTROGRESSIVA ENTRE TRÊS ESPÉCIES DE GATOS NEOTROPICAIS (LEOPARDUS TIGRINUS, LEOPARDUS GEOFFROYI E LEOPARDUS COLOCOLO) (MAMMALIA- FELIDAE) UTILIZANDO DNA MITOCONDRIAL.** Luana Cardoso da Silva, Gilis Kunzler, Eduardo Eizirik, Sandro Luis Bonatto (orient.) (UFRGS).

O gato-do-mato-pequeno (*Leopardus tigrinus*) e o gato-do-mato-grande (*Leopardus geoffroyi*) compartilham uma zona de contato no sul do Brasil. Após a análise de estudos realizados pelo grupo utilizando outro marcador molecular, verificou-se a hipótese de hibridação entre as duas espécies citadas. Além disso, observou-se a participação de um terceiro gato neotropical, o gato-palheiro (*Leopardus colocolo*). O objetivo do trabalho é testar a ocorrência de hibridização entre estas espécies com base nos genes *ND5* e *ATP8* do DNA mitocondrial. As amostras de DNA previamente extraído de sangue e tecidos foram submetidas à amplificação de parte dos genes *ND5* e *ATP8*. Foram analisados até o momento 68 indivíduos de *L. tigrinus* e 41 de *L. geoffroyi*, destes foram seqüenciadas e alinhadas 120 seqüências do gene *ND5* e 62 do gene *ATP8*. A filogenia dos haplótipos apresenta três clados bastante divergentes, e evidências obtidas com outros trabalhos indicam que os clados representam os haplótipos originais das espécies. Observa-se vários casos de discordância entre a identificação morfológica do indivíduo e seu haplótipo mitocondrial: (i) *L. geoffroyi* com mtDNA de *L. tigrinus*; (ii) *L. colocolo* com mtDNA de *L. tigrinus*; e (iii) *L. tigrinus* contendo mtDNA de *L. geoffroyi* ou de *L. colocolo*. A hipótese mais provável é a existência de fluxo gênico recente (hibridação) entre estas. Analisando os haplótipos introgrididos verifica-se a ocorrência destes em municípios da região central do Rio Grande do Sul, corroborando com a zona de contato das espécies. Foram realizadas análises de distância entre as espécies (i) incluindo todos os indivíduos e (ii) excluindo indivíduos que foram identificados morfológicamente em uma espécie, mas que apresentam seqüências de DNA semelhantes à outra espécie. Os valores refletem o que foi observado através da árvore filogenética, verificando-se a proximidade entre *L. tigrinus* e *L. geoffroyi*, mostrando-se igualmente distantes de *L. colocolo*. (Fapergs).