

## Sessão 58 Ginecologia B

496

**FENOTIPAGEM MOLECULAR DO CARCINOMA DE MAMA EM HOMENS.** *Leonardo Leiria de Moura da Silva, Nadima Vieira Toscani, Alexandra Medeiros Souza de Freitas, Cláudio Galleano Zettler, Marcia Silveira Graudenz (orient.) (FFFCMPA).*

O carcinoma de mama em homens compartilha parte de sua biologia com os tumores da mama feminina. Sua terapêutica também é semelhante, entretanto, existem importantes diferenças na carcinogênese mamária em ambos os sexos. A nova classificação molecular dos carcinomas de mama em 4 fenótipos (RE+/Luminal, Normal breast-like, HER2-overexpressing e Basal-like) proposta por Perou et al. (2000) representa os diferentes perfis de expressão gênica em nível molecular destas neoplasias. Tomando-se por base a origem e o comportamento biológico de cada tipo de tumor, pode-se determinar com maior exatidão o prognóstico e a terapêutica específica para cada paciente. Não existem, contudo, estudos aplicando esta nova classificação molecular no carcinoma de mama em homens, tão pouco correlacionando tais dados com aspectos clínico-patológicos desta rara neoplasia. O objetivo deste trabalho é relatar o perfil fenotípico-molecular do carcinoma de mama no sexo masculino. Foram estudados 17 casos de carcinoma ductal invasivo em homens, com diagnóstico histológico durante os anos de 1993-2006. Os casos foram submetidos à técnica imunohistoquímica utilizando-se os anticorpos: receptores de estrogênio (RE), CK 5/6, CK 8/18, HER1 e HER2. As leituras das lâminas foram interpretadas segundo o estabelecido na literatura. Foi observada positividade de 82% para RE (14/17), 17, 6% para CK 5/6 (3/17), 94, 1% para CK8/18 (16/17), 23, 5% para HER1 (4/17) e 17, 6% para HER2 (3/17). Utilizando-se o painel completo de anticorpos foram determinados 11 tumores do fenótipo RE+/Luminal (64, 7%), 2 Normal breast-like (11, 7%), 1 Basal-like (5, 9%) e 3 HER2-overexpressing (17, 7%). Os resultados obtidos indicam que esta neoplasia apresenta, em sua maioria, expressão de receptores hormonais e origem na linhagem epitelial luminal. Os diferentes padrões de expressão gênica obtidos através da fenotipagem molecular dos tumores de mama em homens podem sugerir terapêuticas específicas para o tratamento desta neoplasia. (PIBIC).