



Conectando vidas
Construindo conhecimento

Salão UFRGS 2021
CONHECIMENTO FORMACÃO INOVAÇÃO

XVII SALÃO DE ENSINO

27/09 a 1/10
VIRTUAL

Evento	Salão UFRGS 2021: XVII SALÃO DE ENSINO DA UFRGS
Ano	2021
Local	Virtual
Título	Uso de Softwares em Aulas sobre Filogenia e Conservação Biológica no Ensino Remoto
Autores	LUÍSA BERTOLINI KALIANA FERREIRA KEVIN STACKE CHRISTMANN
Orientador	ENÉAS RICARDO KONZEN

USO DE SOFTWARES EM AULAS SOBRE FILOGENIA E CONSERVAÇÃO BIOLÓGICA NO ENSINO REMOTO

Universidade Federal do Rio Grande do Sul, Centro de Estudos Costeiros Limnológicos e Marinhos – CECLIMAR

Autora: Luísa Bertolini

Coautores: Kaliana Ferreira, Kevin Stacke Christmann

Orientador: Enéas Ricardo Konzen

A comunicação entre universidade e escolas do ensino básico é fundamental no processo de aprimoramento do ensino. Durante o período da pandemia do coronavírus, adaptações tiveram de ser feitas para que o conhecimento continuasse sendo levado aos alunos. Portanto são necessárias dinâmicas simples, mas que sejam capazes de atrair a atenção dos alunos através do ensino remoto. Com isso, é importante abordar assuntos relacionados à genética, origem e disseminação do vírus, que se encontram em pautas bastante atuais, aliados ao contínuo estudo sobre a importância da conservação da biodiversidade. Sendo assim, o projeto “Genética no cotidiano: cursos de capacitação no ensino de Ciências” tem como objetivo capacitar professores de ensino médio e fundamental a ministrar aulas de genética com tópicos atuais e relevantes, além de proporcionar métodos práticos com o uso de ferramentas computacionais. Em uma das edições do curso, foram ministrados sete minicursos e para o atual trabalho destacam-se dois, pois são acompanhados de práticas em softwares. No minicurso “Alinhando sequências e construindo uma árvore genética: parentesco, evolução e o contexto do novo coronavírus”, os participantes aprenderam a buscar sequências de nucleotídeos pelo GenBank e identificar variantes genéticas. Após, as sequências foram alinhadas e uma árvore de parentesco foi construída através do software Mega-X. A segunda prática sobre análises morfológicas, os participantes utilizaram o programa SmartGrain, para realizar medições de frutos através de imagens. O objetivo foi demonstrar como análises morfológicas também são importantes para avaliar variabilidade genética, usando um programa bastante simples. Através de um questionário, os participantes forneceram um feedback muito positivo sobre o curso, e ainda sugerem a intenção de aplicar as dinâmicas em suas aulas. Este projeto certamente pode contribuir para a difusão da ciência e promoção de novas experiências para a Educação Básica.