

280

DETERMINAÇÃO DA ESPECIFICIDADE E SENSIBILIDADE DE UMA NESTED-PCR PARA A DETECÇÃO DO PARVOVÍRUS SUÍNO. Carine Kunzler Souza, Karla Rathje Gonçalves, André Felipe Streck, Laura Lopes de Almeida, Claudio Wageck Canal (orient.) (UNISINOS).

O parvovírus suíno (PPV) é um importante causador de transtornos reprodutivos, caracterizado por morte fetal, mumificação, aborto, retorno ao cio e neonatos fracos. A detecção do PPV é usualmente realizada através das técnicas de isolamento viral e hemaglutinação, porém, com o advento da biologia molecular, técnicas mais sensíveis e específicas foram desenvolvidas. Recentemente, nosso laboratório desenvolveu uma *nested*-PCR que amplifica a região VP1/VP2 do capsídeo viral, podendo, além da detecção, fornecer dados sobre características genéticas do vírus. No presente trabalho, avaliamos e comparamos a *nested*-PCR que amplifica o gene VP1/VP2 com um protocolo descrito de *nested*-PCR que amplifica o gene NS-1. Para testar a especificidade, foram utilizadas amostras de vacinas para microrganismos relacionados ao PPV por características do genoma ou da sintomatologia clínica. A sensibilidade foi mensurada utilizando amostras de vacinas e cepas de PPV. A *nested*-PCR para o gene das proteínas VP1/VP2 foi realizada com os *primers* P1 (2421-2442), P2 (3793-3814), P3 (2606-2625) e P4 (3584-3603) (nucleotídeos referente à cepa *Kresse*). Na análise realizada por BLAST contra todas as seqüências existentes no *GenBank*, os primers para o gene NS-1 apresentaram identidades com seqüências de microrganismos (75), humanos (23) e outros organismos (174), obtendo e-value de 0, 48 a 24. Em comparação, os primers para o gene VP1/VP2 apresentaram menor identidade para microrganismos (9), humanos (74) e outros organismos (150), obtendo e-value de 2, 1 a 17, 8. Atualmente, o projeto está em uma fase inicial em que está sendo realizada a extração de ácidos nucléicos por sílica das vacinas e sendo padronizada a *nested*-PCR para o gene das proteínas VP1/VP2.