

O gene *IFIH1* codifica uma helicase que se liga ao RNA fita dupla gerado durante a replicação e transcrição do RNA viral e que está envolvida na resposta imunológica a viroses, uma vez que desencadeia a liberação de interferon- γ , induzindo apoptose das células infectadas. Dessa forma, *IFIH1* é um gene candidato para o diabetes mellitus tipo 1 (DM1), uma vez que viroses tem um papel importante no desenvolvimento dessa doença. O objetivo do estudo foi avaliar a associação do polimorfismo rs1990760 G/A no gene *IFIH1* e o desenvolvimento do DM1 ou das suas características clínicas e laboratoriais. Foram estudados 340 pacientes com DM1 (casos) e 307 indivíduos não-diabéticos doadores de banco de sangue (controles), todos brancos. Todos os pacientes passaram por uma avaliação clínica e laboratorial padrão. A genotipagem do polimorfismo foi realizada pela técnica de discriminação alélica por PCR em tempo real usando-se sondas TaqMan. As frequências alélicas e genotípicas foram comparadas entre os grupos pelo teste qui-quadrado. Esse teste também foi usado para cálculo do equilíbrio de Hardy-Weinberg. As demais análises estatísticas foram feitas no programa SPSS 18.0. As frequências genotípicas do polimorfismo estão de acordo com aquelas esperadas pelo equilíbrio de Hardy-Weinberg em casos e controles ($p > 0,05$). Não foram observadas diferenças significativas nas frequências alélicas e genotípicas entre pacientes com DM1 e não-diabéticos ($p = 0,997$ e $p = 0,458$, respectivamente). Variáveis tais como níveis de hemoglobina, idade de diagnóstico do DM1, hipertensão arterial e níveis de insulina não diferiram entre os genótipos. O alelo A (A/A + A/G) foi mais frequente em pacientes com DM1 sem retinopatia diabética (RD) do que em pacientes com DM1 sem essa complicação (59,3% vs. 40,7%, respectivamente; RC=0,485; $p = 0,021$). Em conclusão, o alelo A do polimorfismo rs1990760 não está associado ao DM1, mas está associado com proteção para RD. **Apoio financeiro:** CNPq, FAPERGS, FIPE-HCPA.