

279

ESTIMATIVA DA VARIABILIDADE GENÉTICA, POR MEIO DO MARCADOR BMS3004, DE BOVINOS DE DIFERENTES RAÇAS. *Natália Schmiedel Benavides, Juliano Coelho Silveira, Daniel Thompsen Passos, Tania de Azevedo Weimer (orient.) (ULBRA).*

No cromossomo 18 de bovinos está mapeado o gene da cadeia β do Hormônio Luteinizante (LH) relacionado com a estimulação da ovulação, produção de estrógenos pelas células ovarianas e a secreção de progesterona. O LH é importante também no aumento da secreção de líquido folicular, na fragilidade da parede folicular e na maturação do folículo, rompimento da parede folicular e liberação do oócito. Na tentativa de encontrar marcadores moleculares que possam ser úteis na avaliação precoce de desempenho reprodutivo de bovinos e auxiliar a seleção fenotípica clássica, o primeiro passo é o conhecimento da variabilidade genética de marcadores relacionados a genes de interesse. O microssatélite BMS3004, caracteriza-se por uma repetição trinucleotídica CCA, localizada no cromossomo 18 de bovinos, a 5' do gene LH β . Sabe-se que a distribuição dos microssatélites (repetições de 1 a 6 pb) não é ao acaso e que estão envolvidos com a regulação da transcrição gênica pela formação do DNA-Z, facilitando o acesso de fatores de transcrição. Foi avaliada a diversidade genética, em dois rebanhos de bovinos de corte totalizando 200 fêmeas, por meio do marcador molecular BMS3004. O microssatélite foi investigado por Reação em Cadeia da Polimerase (PCR) e os produtos da amplificação visualizados em gel de poliacrilamida 10, 5%. Observou-se diferença nas frequências alélicas entre as amostras, na de Gado Geral (n=74) foram detectados 5 alelos com frequências de: *BMS3004*126* (0, 03), *BMS3004*129* (0, 64), *BMS3004*132* (0, 29), *BMS3004*135* (0, 01) e *BMS3004*138* (0, 04) enquanto a amostra de Aberdeen foi monomórfica para o alelo *BMS3004*129*. A maior variabilidade encontrada na amostra de Gado Geral deve-se ao fato deste rebanho resultar de mistura entre várias outras raças. O conhecimento da variabilidade genética possibilita a obtenção de uma base de dados para que o selecionador direcione os cruzamentos entre os animais, caso se verifique efeito de alelos no desempenho reprodutivo.