ESTRATÉGIAS PARA O ISOLAMENTO E CARACTERIZAÇÃO DO GENE CODIFICANTE DA ENZIMA CINAMOIL-COA REDUTASE DE EUCALYPTUS SALIGNA. Marcelo Kemel Zago, Débora Vom Endt, Giancarlo Pasquali Centro de Biotecnologia do Estado do Rio Grande do Sul, UFRGS, C.P. 15005, CEP 91501-970, Porto Alegre - RS

Objetivando um melhor entendimento dos processos regulatórios da expressão gênica relacionada à síntese de lignina em plantas, este trabalho tem se dedicado ao isolamento e caracterização do gene codificante da proteína cinamoil-coenzima A redutase (CCR), uma das enzimas-chave envolvidas na biossíntese dos precursores universais da lignina em plantas, os monolignóis. DNA genômico foi isolado de plântulas de E. saligna, uma das mais importantes espécies arbóreas para as indústrias de polpa de celulose e papel do sul do Brasil. A partir das seqüências do gene ccr disponíveis no GenBank/EMBLBank, oligonucleotídeos sintéticos flanqueando o primeiro éxon do gene foram definidos e utilizados para amplificar um fragmento correspondente a partir do DNA genômico. Um fragmento de tamanho esperado (cerca de 290 pb) foi obtido como produto da amplificação e clonado no

plasmídeo pUC119. A identidade do fragmento clonado está sendo confirmado por seqüenciamento. Este fragmento será utilizado como sonda para o isolamento de clones genômicos do gene ccr de E. saligna, para determinar o número de cópias do gene ccr no genoma de E. saligna, bem como para avaliar o padrão de expressão gênica nos diferentes tecidos vegetais e em diferentes estádios do desenvolvimento. Apoio: FAPERGS, CNPq, RHAE/CNPq